Sequence Comparison A

```
RESULT    1
US-08-966-316-17
; Sequence 17, Application US/08966316
; Patent No. 5932445
;  GENERAL INFORMATION:
;    APPLICANT:  Lal, Preeti
;    APPLICANT:  Au-Young, Janice
;    APPLICANT:  Reddy, Roopa
;    APPLICANT:  Murry, Lynn E.
;    APPLICANT:  Mathur, Preete
;    TITLE OF INVENTION:  SIGNAL PEPTIDE - CONTAINING PROTEINS
;    NUMBER OF SEQUENCES:  18
;    CORRESPONDENCE ADDRESS:
;      ADDRESSEE:  Incyte Pharmaceuticals, Inc.
;      STREET:  3174 Porter Drive
;      CITY:  Palo Alto
;      STATE:  CA
;      COUNTRY:  USA
;      ZIP:  94304
;    COMPUTER READABLE FORM:
;      MEDIUM TYPE:  Diskette
;      COMPUTER:  IBM Compatible
;      OPERATING SYSTEM:  DOS
;      SOFTWARE:  FastSEQ for Windows Version 2.0
;    CURRENT APPLICATION DATA:
;      APPLICATION NUMBER:  US/08/966,316
;      FILING DATE:  Herewith
;      CLASSIFICATION:  435
;    PRIOR APPLICATION DATA:
;      APPLICATION NUMBER:
;      FILING DATE:
;    ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
;      NAME:  Billings, Lucy J.
;      REGISTRATION NUMBER:  36,749
;      REFERENCE/DOCKET NUMBER:  PF-0424 US
;    TELECOMMUNICATION INFORMATION:
;      TELEPHONE:  650-855-0555
;      TELEFAX:  650-845-4166
;      TELEX:
;  INFORMATION FOR SEQ ID NO:  17:
;    SEQUENCE CHARACTERISTICS:
;      LENGTH:  1660 base pairs
;      TYPE:  nucleic acid
;      STRANDEDNESS:  single
;      TOPOLOGY:  linear
;    IMMEDIATE SOURCE:
;      LIBRARY:  UTRSNOT11
;      CLONE:  2547002
US-08-966-316-17


    Query Match              83.6%;  Score 1636.8;  DB 2;  Length 1660;
    Best Local Similarity    99.8%;  Pred. No. 0;
    Matches 1649;  Conservative    0;  Mismatches    2;  Indels    1;  Gaps    1;

Qy      67 tacaacagattggagccatggctttggagcagaaccagtcaacagattattattatgagg 126
           |||||||||||||||||||||||||||| ||||||||||||||||||||||||||||||||
Db       7 TACAACAGATTGGAGCCATGGCTTTGGAACAGAACCAGTCAACAGATTATTATTATGAGG 66

Qy     127 aaaatgaaatgaatggcacttatgactacagtcaatatgaactgatctgtatcaaagaag 186
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      67 AAAATGAAATGAATGGCACTTATGACTACAGTCAATATGAACTGATCTGTATCAAAGAAG 126

Qy     187 atgtcagagaatttgcaaaagttttcctccctgtattcctcacaatagttttcgtcattg 246
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db     127 ATGTCAGAGAATTTGCAAAAGTTTTCCTCCCTGTATTCCTCACAATAGTTTTCGTCATTG 186

Qy     247 gacttgcaggcaattccatggtagtggcaatttatgcctattacaagaaacagagaacca 306
```

```
                |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      187 GACTTGCAGGCAATTCCATGGTAGTGGCAATTTATGCCTATTACAAGAAACAGAGAACCA 246

Qy      307 aaacagatgtgtacatcctgaatttggctgtagcagatttactccttctattcactctgc 366
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      247 AAACAGATGTGTACATCCTGAATTTGGCTGTAGCAGATTTACTCCTTCTATTCACTCTGC 306

Qy      367 ctttttgggctgttaatgcagttcatgggtgggtttttagggaaaataatgtgcaaaataa 426
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      307 CTTTTTGGGCTGTTAATGCAGTTCATGGGTGGGTTTTAGGGAAAATAATGTGCAAAATAA 366

Qy      427 cttcagccttgtacacactaaactttgtctctggaatgcagtttctggcttgtatcagca 486
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      367 CTTCAGCCTTGTACACACTAAACTTTGTCTCTGGAATGCAGTTTCTGGCTTGTATCAGCA 426

Qy      487 tagacagatatgtggcagtaactaaagtccccagccaatcaggagtgggaaaaccatgct 546
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      427 TAGACAGATATGTGGCAGTAACTAAAGTCCCCAGCCAATCAGGAGTGGGAAAACCATGCT 486

Qy      547 ggatcatctgtttctgtgtctggatggctgccatcttgctgagcataccccagctggttt 606
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      487 GGATCATCTGTTTCTGTGTCTGGATGGCTGCCATCTTGCTGAGCATACCCCAGCTGGTTT 546

Qy      607 tttatacagtaaatgacaatgctaggtgcattcccattttcccccgctacctaggaacat 666
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      547 TTTATACAGTAAATGACAATGCTAGGTGCATTCCCATTTTCCCCCGCTACCTAGGAACAT 606

Qy      667 caatgaaagcattgattcaaatgctagagatctgcattggatttgtagtaccctttctta 726
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      607 CAATGAAAGCATTGATTCAAATGCTAGAGATCTGCATTGGATTTGTAGTACCCTTTCTTA 666

Qy      727 ttatgggggtgtgctactttatcacagcaaggacactcatgaagatgccaaacattaaaa 786
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      667 TTATGGGGGTGTGCTACTTTATCACAGCAAGGACACTCATGAAGATGCCAAACATTAAAA 726

Qy      787 tatctcgacccctaaaagttctgctcacagtcgttatagttttcattgtcactcaactgc 846
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      727 TATCTCGACCCCTAAAAGTTCTGCTCACAGTCGTTATAGTTTTCATTGTCACTCAACTGC 786

Qy      847 cttataacattgtcaagttctgccgagccatagacatcatctactccctgatcaccagct 906
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      787 CTTATAACATTGTCAAGTTCTGCCGAGCCATAGACATCATCTACTCCCTGATCACCAGCT 846

Qy      907 gcaacatgagcaaacgcatggacatcgccatccaagtcacagaaagcatcgcactctttc 966
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      847 GCAACATGAGCAAACGCATGGACATCGCCATCCAAGTCACAGAAAGCATCGCACTCTTTC 906

Qy      967 acagctgcctcaacccaatcctttatgtttttatgggagcatctttcaaaaactacgtta 1026
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      907 ACAGCTGCCTCAACCCAATCCTTTATGTTTTTATGGGAGCATCTTTCAAAAACTACGTTA 966

Qy     1027 tgaaagtggccaagaaatatgggtcctggagaagacagagacaaagtgtggaggagtttc 1086
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      967 TGAAAGTGGCCAAGAAATATGGGTCCTGGAGAAGACAGAGACAAAGTGTGGAGGAGTTTC 1026

Qy     1087 cttttgattctgagggtcctacagagccaaccagtacttttagcatttaaaggtaaaact 1146
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db     1027 CTTTTGATTCTGAGGGTCCTACAGAGCCAACCAGTACTTTTAGCATTTAAAGGTAAAACT 1086

Qy     1147 gctctgccttttgcttggatacatatgaatgatgctttcccctcaaataaaacatctgca 1206
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db     1087 GCTCTGCCTTTTGCTTGGATACATATGAATGATGCTTTCCCCTCAAATAAAACATCTGCA 1146

Qy     1207 ttattctgaaactcaaatctcagacgccgtggttgcaacttataataaagaatgggttgg 1266
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db     1147 TTATTCTGAAACTCAAATCTCAGACGCCGTGGTTGCAACTTATAATAAAGAATGGGTTGG 1206

Qy     1267 gggaagggggagaaataaaagccaagaagaggaaacaagataat.aaatgtacaaaacatg 1326
                ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db     1207 GGGAAGGGGGAGAAATAAAAGCCAAGAAGAGGAAACAAGATAATAAATGTACAAAACATG 1266
```

```
Qy   1327 aaaattaaaatgaacaatataggaaaataattgtaacaggcataagtgaataacactctg 1386
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1267 AAAATTAAAATGAACAATATAGGAAAATAATTGTAACAGGCATAAGTGAATAACACTCTG 1326

Qy   1387 ctgtaacgaagaagagctttgtggtgataattttgtatcttggttgcagtggtgcttata 1446
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1327 CTGTAACGAAGAAGAGCTTTGTGGTGATAATTTTGTATCTTGGTTGCAGTGGTGCTTATA 1386

Qy   1447 caaatctacacaagtgataaaatgacacagaactatatacacacattgtaccaatttcaa 1506
          ||||||||||||||||||||||||||||| ||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1387 CAAATCTACACAAGTGATAAAATGACAGAGAACTATATACACACATTGTACCAATTTCAA 1446

Qy   1507 tttcctggttttgacattatagtataattatgtaagatggaaccattggggaaaactggg 1566
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1447 TTTCCTGGTTTTGACATTATAGTATAATTATGTAAGATGGAACCATTGGGGAAAACTGGG 1506

Qy   1567 tgaagggtacccaggaccactctgtaccatctttgtaacttcctgtgaatttataataat 1626
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1507 TGAAGGGTACCCAGGACCACTCTGTACCATCTTTGTAACTTCCTGTGAATTTATAATAAT 1566

Qy   1627 ttcaaaataaaacaagtt-aaaaaaaaacccactatgctataagttaggccatctaaaac 1685
          ||||||||||||||||| ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1567 TTCAAAATAAAACAAGTTAAAAAAAAAAACCCACTATGCTATAAGTTAGGCCATCTAAAAC 1626

Qy   1686 agattattaaagaggttcatgttaaaaggcat 1717
          ||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1627 AGATTATTAAAGAGGTTCATGTTAAAAGGCAT 1658
```